

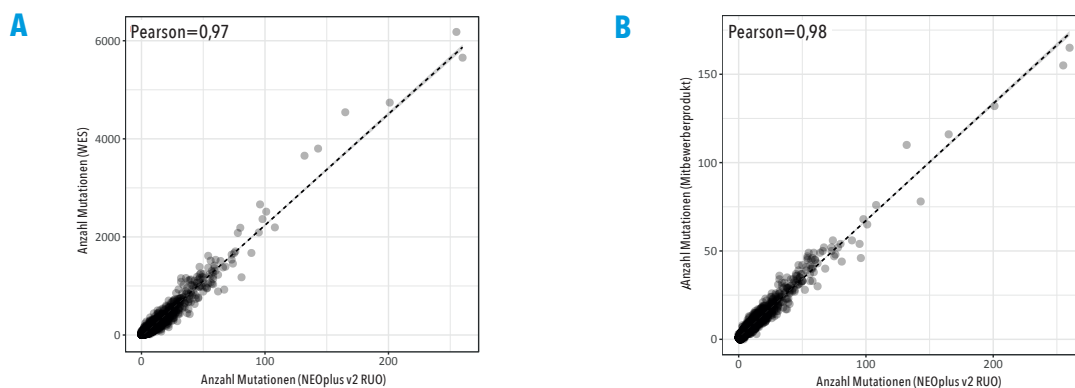
Analyse der Tumormutationslast und krebsrelevanter Mutationen

- **Ein einzelner Assay zur parallelen Bestimmung von Tumormutationslast (TMB) und MSI sowie krebsrelevanten Genveränderungen** (Punktmutationen, InDels, Translokationen, Kopienzahlveränderungen) **in der klinischen Forschung**
- Analyse umfasst mehr als 340 Gene, inklusive DNA-Reparaturgene (z. B. POLE) und Prädiktoren für das Ansprechen auf Immuntherapien (z. B. B2M, STK11)
- Die ausschließlich auf DNA basierende Analyse ermöglicht zeiteffiziente und gewebsparsende Abläufe im Labor
- Probenmaterial: Kryogewebe, Zytologien, fixiertes Gewebe (FFPE-Material)

Übersicht zum Testumfang

- NEOplus RUO analysiert über 340 Gene
- Das exonische Territorium zur TMB-Bestimmung beträgt > 1,1 Mb
- Auswahl weiterer analysierter Genveränderungen: Punktmutationen (z. B. KRAS, BRAF, EGFR), InDels (z. B. EGFR, BRCA1/2, MET), Translokationen (z. B. ALK, ROS1, NTRK, FGFR) und Kopienzahlveränderung (z. B. MET, ERBB2)

In silico-Vergleich der TMB-Bestimmung durch NEOplus RUO mit anderen Methoden



A Whole exome sequencing (WES)-Daten von mehr als 3.000 Proben wurden *in silico* mit NEOplus RUO analysiert. Die Anzahl der Mutationen im jeweiligen Territorium sind durch einzelne Datenpunkte dargestellt. Die ermittelte TMB-Bestimmung mit den von NEOplus RUO abgedeckten exonischen Regionen zeigt eine hohe Korrelation zur TMB-Bestimmung mittels WES. Datenquelle: The Cancer Genome Atlas. <https://cancergenome.nih.gov/>

B Die WES-Daten aus (A) wurden *in silico* mit einem in aktuellen Studien verwendeten Mitbewerberprodukt analysiert und mit den Ergebnissen der NEOplus RUO-Analyse aus (A) verglichen. Hier zeigt sich ebenfalls eine hohe Korrelation der detektierten Mutationen zwischen den beiden Produkten.

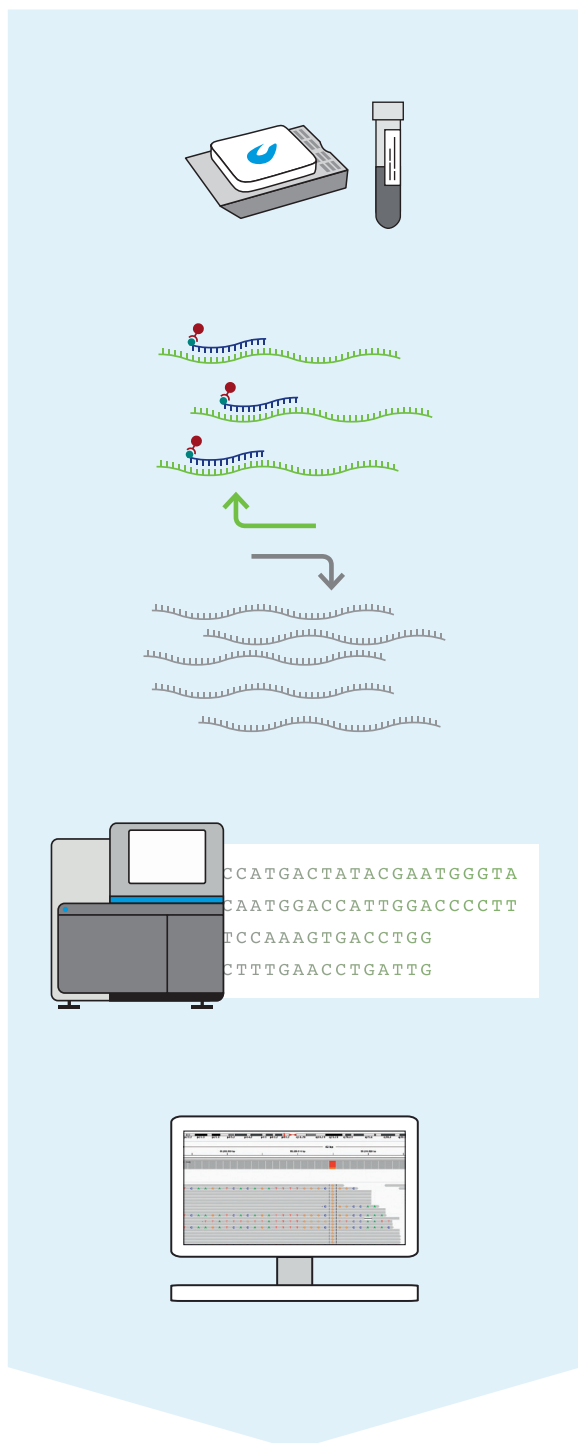


**Aktuelle Studien belegen, dass die Tumormutationslast ein wichtiger zukünftiger Biomarker ist¹.
Etablieren Sie die Analyse des neuen Biomarkers mit NEOplus RUO in Ihrem Labor!**

¹ Hellmann MD et al. N Engl J Med. 2018. doi: 10.1056/NEJMoa1801946

Umfassende Unterstützung Ihrer molekularen Tumordiagnostik

NEOonsite – der effiziente Workflow in Ihrem Labor



Alle Hybrid-Capture-basierten Assays können auf der NEOonsite-Plattform durchgeführt werden:
NEOmyeloid RUO – Analytik myeloischer Erkrankungen
NEOplus RUO – Bestimmung der Tumormutationslast
NEOselect – Analyse solider Tumoren
NEOliquid – Liquid-Biopsy-Assay

Innovative Hybrid-Capture-NGS-Technologie
für umfangreiche und zuverlässige Ergebnisse

Bioinformatische Auswertung bei **voller Kontrolle über alle Roh- und Analysedateien**

Umfassende Datenauswertung und -interpretation mit der **nutzerfreundlichen Software NEOdiagnosis**